

Documento 8 **swissnosc** SSI-module

Lista e codifica dei microorganismi classificati per gruppo Versione del 01.10.2022

| | |
|----------|---|
| A | Ai microrganismi responsabili dell'infezione del sito operatorio è attribuito un codice. Questo numero permette di rispondere a 3 domande del formulario di raccolta "patogeni 1, 2, 3" dei dati sull'infezione |
| B | I germi sono classificati per gruppo secondo le loro caratteristiche : batteri Gram negativi, batteri Gram positivi, batteri anaerobi, funghi, altro |

| A | B |
|--------|----------------|
| Codice | Microorganismi |

| Batteri GRAM-POSITIVI (aerobi e facoltativi) | |
|--|---|
| 1 | <i>Staphylococcus aureus</i> sensibile alla meticillina |
| 2 | <i>Staphylococcus aureus</i> resistente alla meticillina (MRSA) |
| 3 | <i>Staphylococcus coag neg</i> (esempio: <i>Staphylococcus epidermidis</i>) |
| 4 | <i>Streptococcus pneumoniae</i> (Pneumococco) |
| 5X1 | <i>Enterococcus faecium</i> sensibile alla vancomicina |
| 5X2 | <i>Enterococcus faecalis</i> e altri enterococchi sensibili alla vancomicina |
| 5X3 | Enterococchi <i>faecalis</i> , <i>faecium</i> e altri enterococchi, resistenti alla vancomicina (VRE) |
| 6 | <i>Streptococcus alpha</i> (<i>mitis</i> , <i>milleri</i> , <i>oralis</i> , <i>constellatus</i> , <i>anginosus</i> , <i>emolitico</i> , <i>sanguis</i> , <i>millieri</i> , <i>equinus</i> , <i>gordonii</i> , <i>parasanguis</i> , <i>salivarius</i>) |
| 7 | <i>Streptococcus pyogenes</i> (Streptococco betaemolitico del gruppo A) |
| 8 | <i>Streptococcus agalactiae</i> (Streptococco betaemolitico del gruppo B) |
| 9 | Altri Streptococchi del gruppo C, gruppo D, <i>gemella (bovis)</i> , ecc.) |
| 10 | <i>Bacillus sp</i> |
| 11 | <i>Corynebacterium sp</i> |
| 12 | <i>Listeria monocytogenes</i> |
| 13 | Altri (esempi: <i>Brevibacterium</i> , <i>microcoques</i> , <i>Abiotrophia</i> , <i>Granulicatella adjacens</i>) |
| Batteri GRAM-NEGATIVI | |
| 21 | <i>Escherichia coli</i> |
| 211 | <i>Escherichia coli</i> produttore di betalactamasi a spettro allargato (ESBL ^{1,3}) |
| 2111 | <i>Escherichia coli</i> produttore di carbapenemasi (CPE ^{2,3}) |
| 22 | <i>Klebsiella pneumoniae</i> , <i>oxytoca</i> , <i>variicola</i> |
| 221 | <i>Klebsiella sp.</i> produttrice di betalactamasi a spettro allargato (ESBL) |
| 2211 | <i>Klebsiella sp.</i> produttore di carbapenemasi (CPE) |
| 23 | <i>Proteus mirabilis</i> , <i>vulgaris</i> |
| 231 | <i>Proteus sp.</i> produttore di carbapenemasi (CPE) |
| 2311 | <i>Proteus sp.</i> produttore di betalactamasi a spettro allargato (ESBL) |
| 24 | <i>Serratia marcescens</i> |
| 241 | <i>Serratia marcescens</i> produttore di carbapenemasi (CPE) |
| 2411 | <i>Serratia marcescens</i> produttore di betalactamasi a spettro allargato (ESBL) |
| 25 | <i>Enterobacter aerogenes / cloacae</i> |
| 251 | <i>Enterobacter aerogenes / cloacae</i> produttori di carbapenemasi (CPE) |
| 2511 | <i>Enterobacter sp</i> produttore di betalactamasi a spettro allargato (ESBL) |

Documento 8 SSI-module

Seguito della lista e codifica dei microorganismi classificati per gruppo

| A | B |
|------------------------------|---|
| Codice | Microorganismi |
| Batteri GRAM-NEGATIVI | |
| 26 | Altri Enterobacteriaceae (<i>Citrobacter sp</i> , <i>Campylobacter</i> , <i>Morganella</i> , <i>Hafnia alvei</i>) |
| 261 | Altri Enterobacteriaceae produttori di carbapenemasi (CPE) |
| 2611 | Altri Enterobacteriaceae produttori di betalactamasi a spettro allargato (ESBL) |
| 27 | <i>Pseudomonas aeruginosa</i> |
| 28 | <i>Pseudomonas non aeruginosa</i> |
| 29 | <i>Acinetobacter sp</i> |
| 30 | <i>Neisseria gonorrhoeae</i> |
| 31 | <i>Haemophilus influenzae</i> e altri <i>Haemophilus</i> |
| 32 | <i>Stenotrophomonas maltophilia</i> (<i>Xanthomonas</i>) |
| 33 | Altri (esempi: <i>Moraxella</i> , <i>Pasteurella</i> , <i>Burkholderia</i> , <i>Agrobacterium</i> , ecc.) |
| 34 | <i>Neisseria meningitidis</i> |
| 35 | <i>Salmonella sp</i> |
| Batteri ANAEROBI | |
| 41 | <i>Cutibacterium acnes</i> (<i>Propionibacterium acnes</i>) |
| 42 | <i>Clostridium perfringens</i> |
| 43 | <i>Clostridium species</i> |
| 44 | <i>Peptostreptococcus sp</i> |
| 45 | <i>Prevotella sp</i> |
| 46 | <i>Bacteroides fragilis</i> o altri <i>Bacteroides</i> |
| 47 | <i>Fusobacterium</i> |
| 48 | <i>Actinomyces</i> |
| 49 | <i>Veillonellae</i> |
| 50 | Altri anaerobi (es. <i>Eubacterium sp</i> , <i>Gemella morbillorum</i> , <i>Eggerthella lenta</i>) |
| ALTRI batteri | |
| 991 | Flora digestiva senza ulteriore precisione |
| 992 | Flora cutanea senza ulteriore precisione |
| FUNGHI | |
| 51 | <i>Candida albicans</i> |
| 52 | <i>Candida glabrata</i> (<i>Torulopsis glabrata</i>) |
| 53 | Autres <i>Candida species</i> |
| 54 | <i>Cryptococcus neoformans</i> |
| 55 | Altri |
| 60 | Batteri/funghi difficili da classificare |

¹ ESBL: batteri produttori di beta-lattamasi a spettro allargato resistenti a tutte le penicilline, le cefalosporine comprese quelle della 3a generazione (esempio Cefotaxime) e all'Aztreonam

² Alcuni enterobatteri (*E. Coli*, *Klebsiella*, *Proteus*, *Serratia*, *Enterobacter* e altre enterobatteriacee) producono degli enzimi (carbapenemasi) che annullano i carbapenemi (imipeneme, meropenem, ertapenem). Altri meccanismi inducono una resistenza ai carbapenemi. Sono classificati per codice (CPE) solo i batteri produttori di carbapenemasi.

³Se un batterio presenta due caratteristiche di resistenza: ESBL e CPE, censire unicamente la resistenza relativa alla produzione di carbapenemasi (CPE)